

חוקר/ת ביואינפורמטיקה

לחברה Novocure המפתחת מכשור רפואי פורץ דרך לטיפול בסרטן דרוש ביואינפורמטיקאי בעל ראייה רחבה להקמת היחידה לביואינפורמטיקה בחברה. במסגרת התפקיד: איפיון תשתיות המחשוב הדרושות, איפיון ובניית מטודולוגיות, ביצוע אנליזות ביואינפורמטיות למידע פרקליני וקליני. הבנה מעמיקה בתחום הביולוגיה, עבודה עם ביולוגים לבניה והוצאה לפועל של תוכניות אנליזה, פיתוח שיטות אנליטיות וסיפוק תובנות ביולוגיות מתוך ניתוח הנתונים, עבודה עם מהנדסי תוכנה על אלגוריתמים ועוד.

דרישות

- תואר שני לפחות בביואינפורמטיקה / ביולוגיה חישובית / מדעי המחשב עם אוריאנטציה לביולוגיה – חובה.
- ניסיון בניתוח נתוני / NGS מידע גנומי - חובה.
- ניסיון בתכנות מדעי וכתובת סקריפטים בשפה אחת לפחות מבין הבאות – R, Perl, Python: חובה.
- ניסיון בעבודה בסביבת – Unix חובה.
- ניסיון בעבודה עם מאגר נתונים מתחום הביולוגיה, ידע בשיטות וכלים.
- ניסיון בפיתוח מתודולוגיות לניתוח נתונים- יתרון.
- יכולת הובלת תהליכים, עבודה עצמאית, חריצות ומוטיבציה גבוהה

Lead Bioinformaticist

Novocure, medical device company developing breakthrough theology for cancer treatment, seeking for Bioinformatics Scientist with wide vision, for building the bioinformatics unit in the company.

Duties:

- Characterize of the infra structures required for the unit
- Developing algorithms and analyses for cutting-edge next-generation sequencing (NGS), analyzing exciting large-scale genomic data; develop high-performance computing platform and analysis workflow. The work will be done with our highly professional teams in both science and engineering to deliver the best genomic applications to the field.
- Work directly with preclinical department to solve their bioinformatics challenges, with an emphasis on gene panel sequencing, which may include troubleshooting, problem-solving, developing analyses pipeline to resolve issues and present data in the best light
- Create training materials, protocols, and applications notes on data analysis
- Analyze sequencing data, design analysis strategies, tools and algorithms, and develop operating pipelines
- Keep current with relevant scientific or medical journals.

Requirements:

- Masters or Ph. D. in Bioinformatics, applied mathematics, molecular biology, biochemistry, and computer science oriented to biology or equivalent.
- Deep understanding in the molecular biology technicians -advantage.
- Previous experience in data analysis of next-generation sequencing (NGS) data is required.
- Minimum 1 - 2 years of experience in bioinformatics and data analysis.
- Practical experience with open source bioinformatics tools and wide knowledge of genomics applications.

- Programming skills with Python or Perl, R
- Working in Linux environment
- Fast learner and willing to learn new skills and technologies
- Aptitude to present Bioinformatics issues and solutions to audiences with varying levels of experience is critical.
- Looking for self-starter who is comfortable working in a fast moving interdisciplinary team.
- Ability to lead processes
- Team player with good communication skills